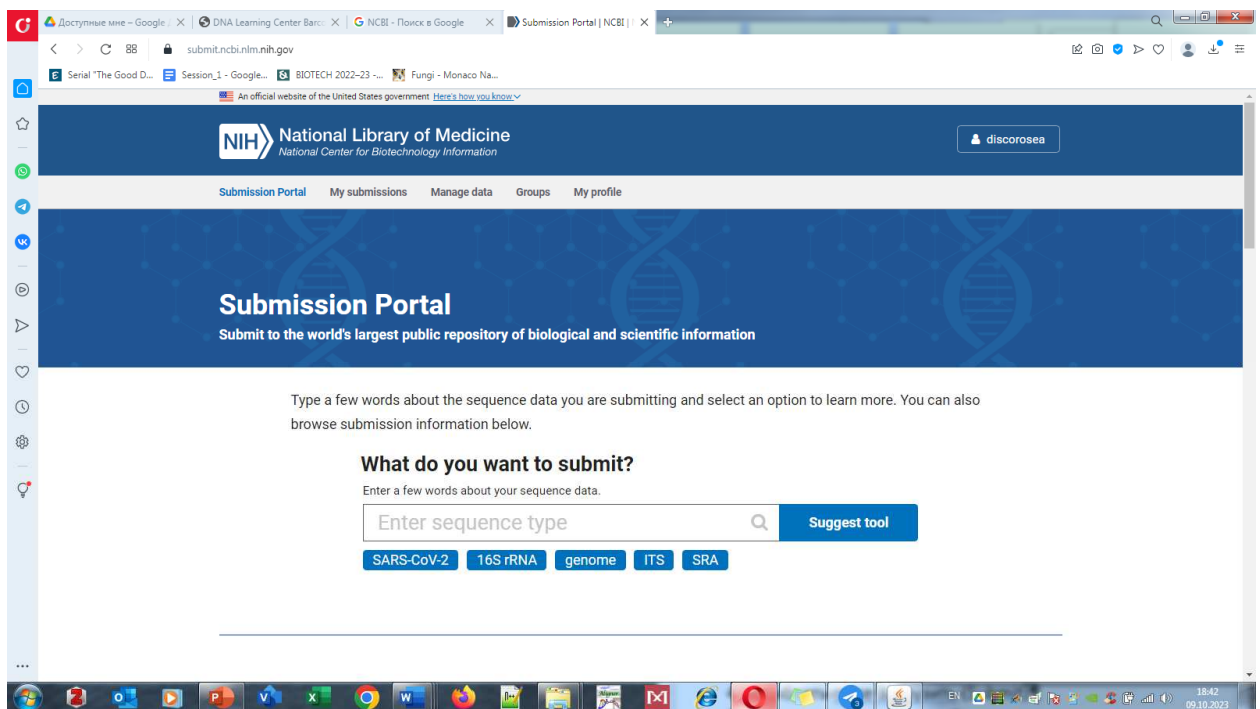
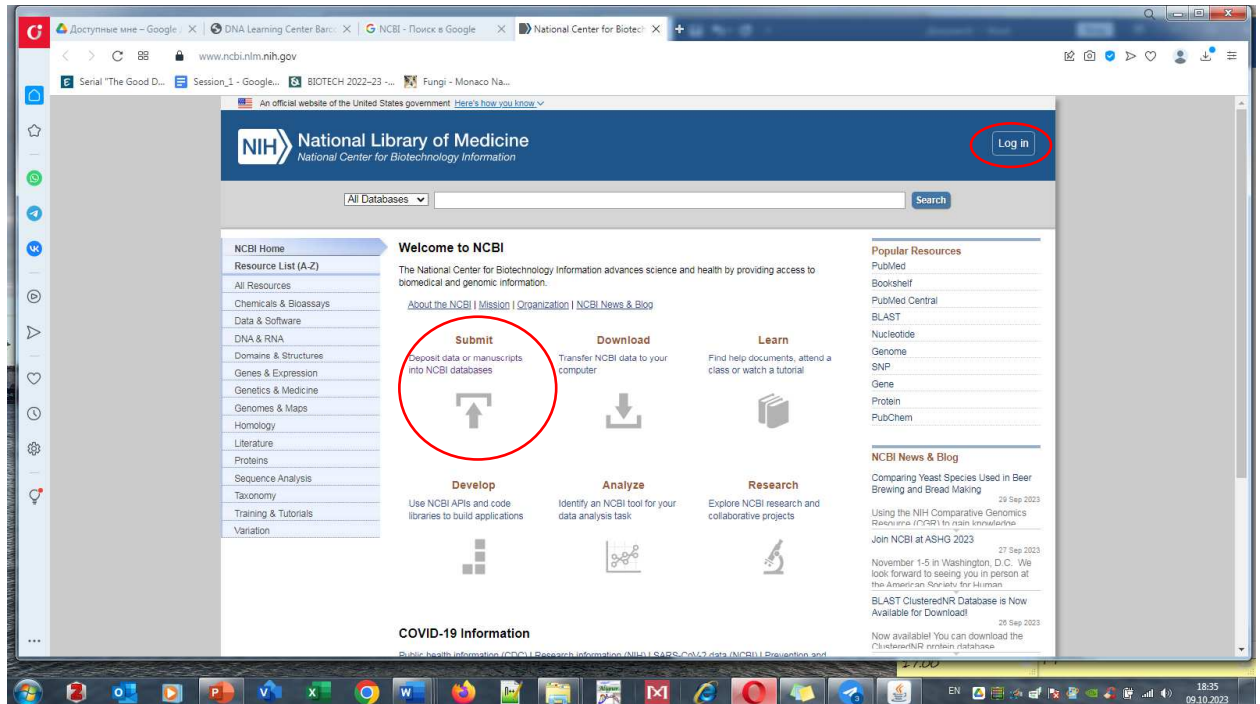


Загрузка последовательностей в базу данных GenBank

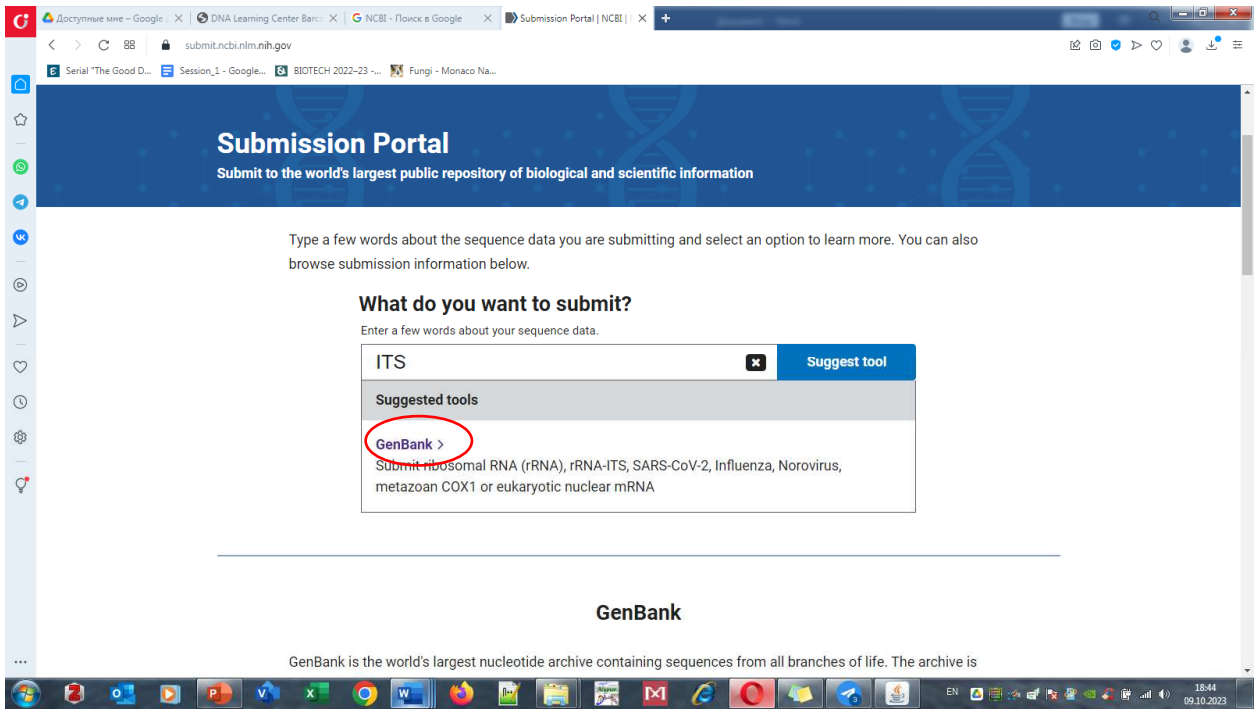
Шаги

1. Создать аккаунт в Google или ORCID
2. Задать в поисковике NCBI
3. Войти с помощью аккаунта Google или ORCID
4. Выбрать поле Загрузить (Submit)
5. Следовать инструкции.

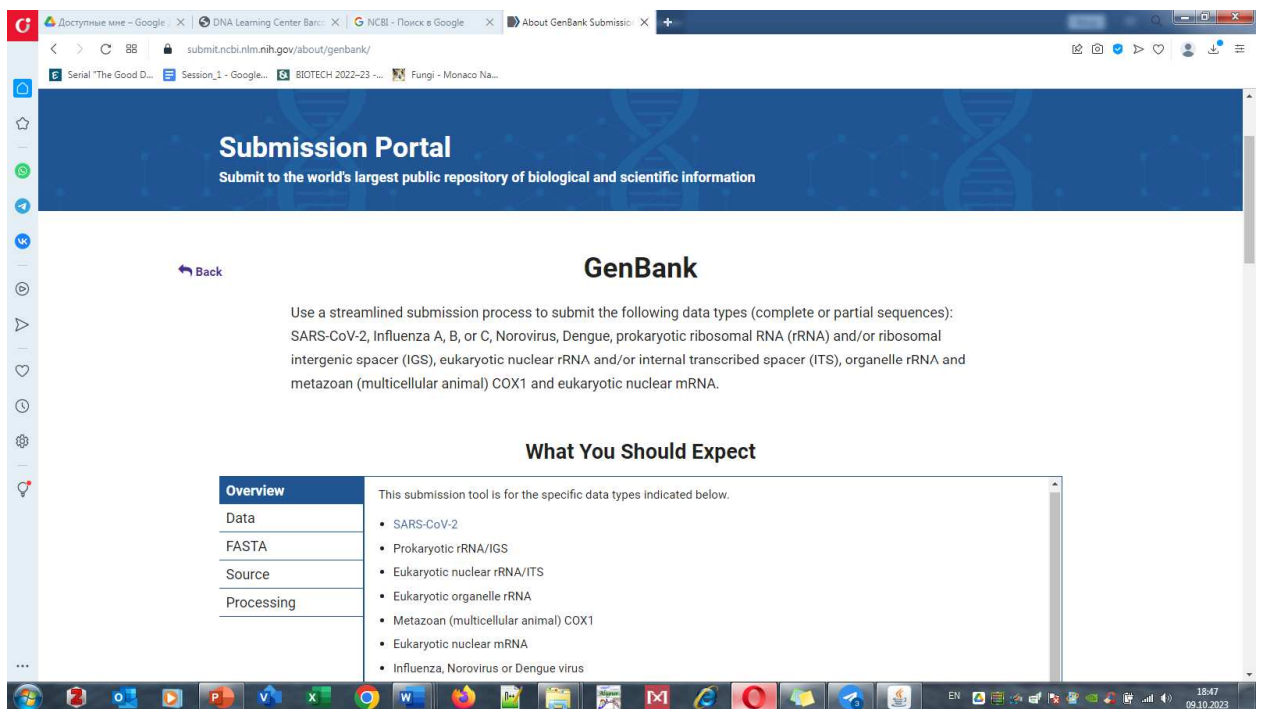


Выбрать тип данных, которые нужно загрузить

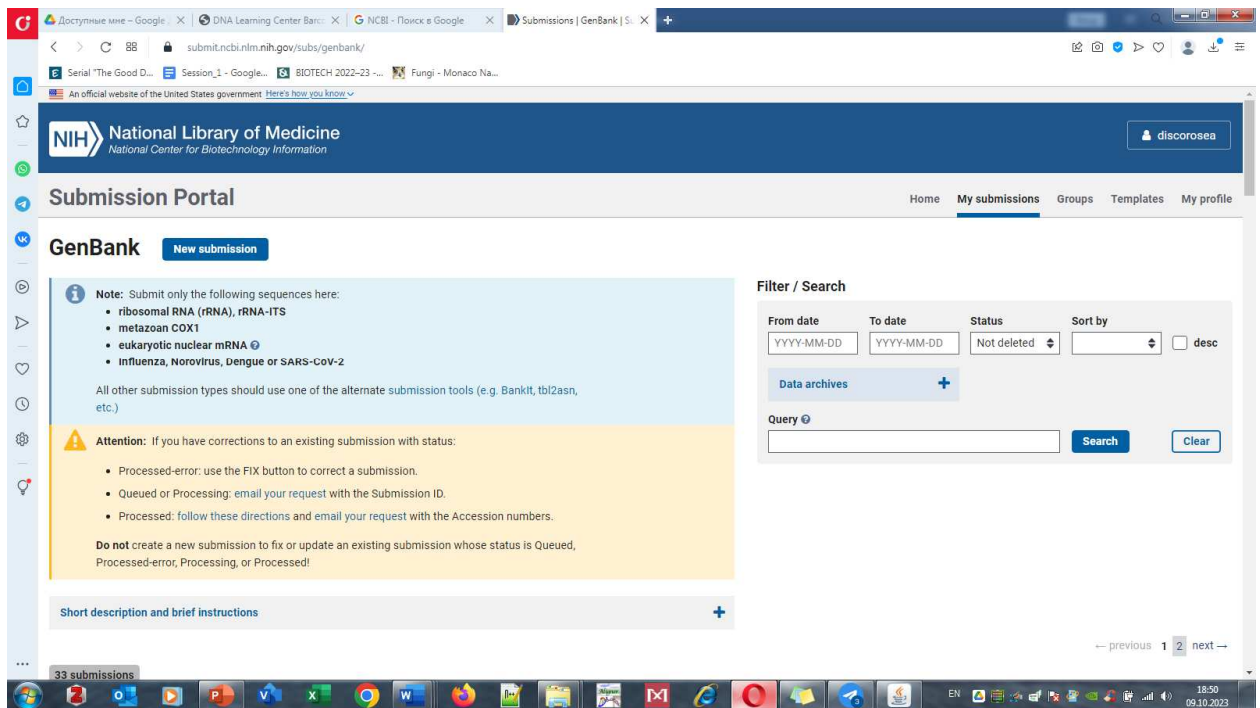
Мы выбираем ITS



На вкладке GenBank можно посмотреть, какие данных нужно иметь для загрузки



Ознакомившись нажать кнопку Submit внизу окна

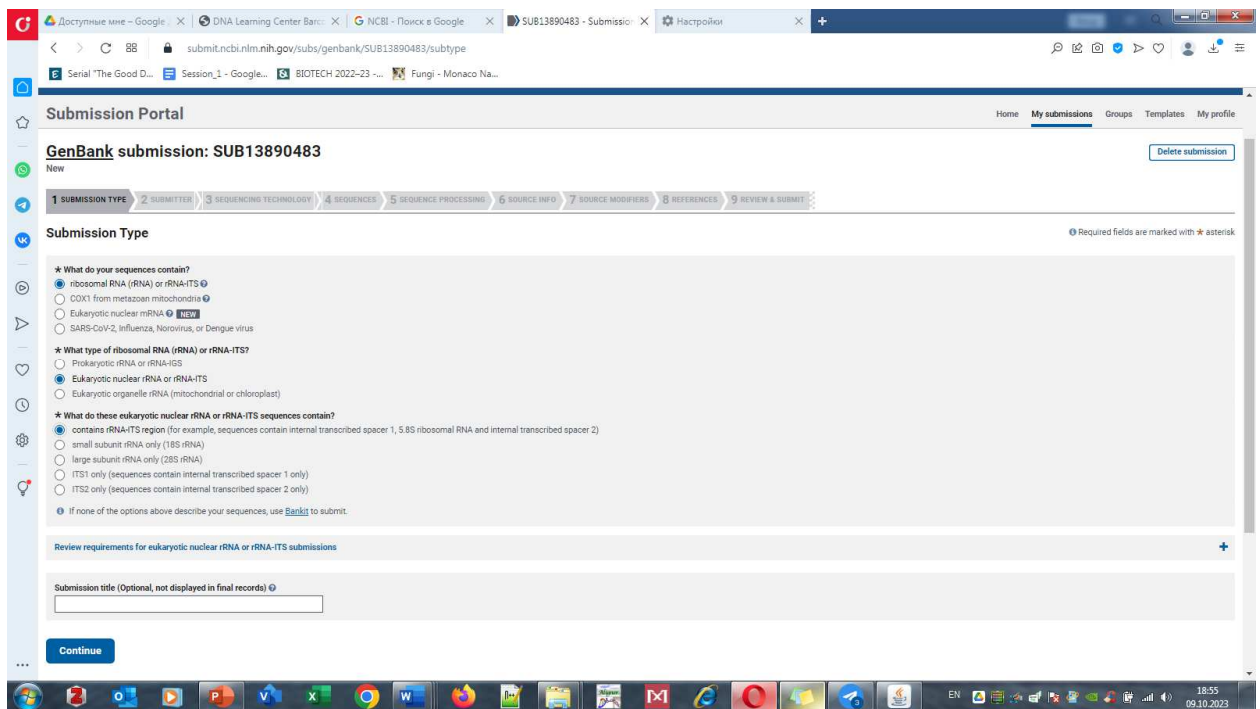


Открывается вкладка Submission Portal

Прочитать внимательно информацию в зеленом и желтом полях вкладки

И начать новую загрузку, нажав кнопку вверху окна New submission

Открывается окно выбора локуса



Выбрать соответствующий локус

Дать название загрузке, чтобы иметь возможность потом ориентироваться в своих загрузках

GenBank submission: SUB13890483
Eukaryotic Nuclear rRNA/ITS

1 SUBMISSION TYPE 2 **SUBMITTER** 3 SEQUENCING TECHNOLOGY 4 SEQUENCES 5 SEQUENCE PROCESSING 6 SOURCE INFO 7 SOURCE MODIFIERS 8 REFERENCES 9 REVIEW & SUBMIT

Submitter

Affiliation

The information you give here will be displayed in the final sequence records.
For address details, provide the primary address where work was done to generate the data in this submission.

Group for this submission

My personal profile (affiliation from my personal profile)

I member: Elena Zvyagina's shared submissions

* Submitting organization: Yuga State University * Department: Fungarium of Yuga State University

* Street: Stroiteley 2 * City: Shapsha village * State/Province: Khanty-Mansi Aut * Postal code: 628608 * Country: Russia

Contact information

GenBank may use this information to contact you about your submission, it will not be displayed in the final sequence records.

* Email (primary): mycena@yandex.ru * Email (secondary): mycena1974@gmail.com

* First (given) name: Elena * Middle name: A * Last (family) name: Zvyagina

Phone Fax

[Continue](#) Update my contact information in profile

Заполнить поля аффилиации

Откроется окно выбора технологий секвенирования.

Выбрать технологию секвенирования и отметить, является ли последовательность прямым чтением (unassembled reads) или производной из нескольких прочтений, например, прямого и обратного (Assembled seqeaces).

GenBank submission: SUB13890483
Eukaryotic Nuclear rRNA/ITS

1 SUBMISSION TYPE 2 SUBMITTER 3 **SEQUENCING TECHNOLOGY** 4 SEQUENCES 5 SEQUENCE PROCESSING 6 SOURCE INFO 7 SOURCE MODIFIERS 8 REFERENCES 9 REVIEW & SUBMIT

Sequencing Technology

Use the check boxes to select the sequencing technology type(s) used to obtain the sequences. Multiple types can be selected, if appropriate. If you used technology that is not listed in the form, please select other and use the free text box to provide the information.

Method

* What methods were used to obtain these sequences?

Sanger dideoxy sequencing

454

Helicos

Illumina

IonTorrent

Pacific Biosciences

SOLiD

Other

Assembly state

These sequences are:

Unassembled sequence reads

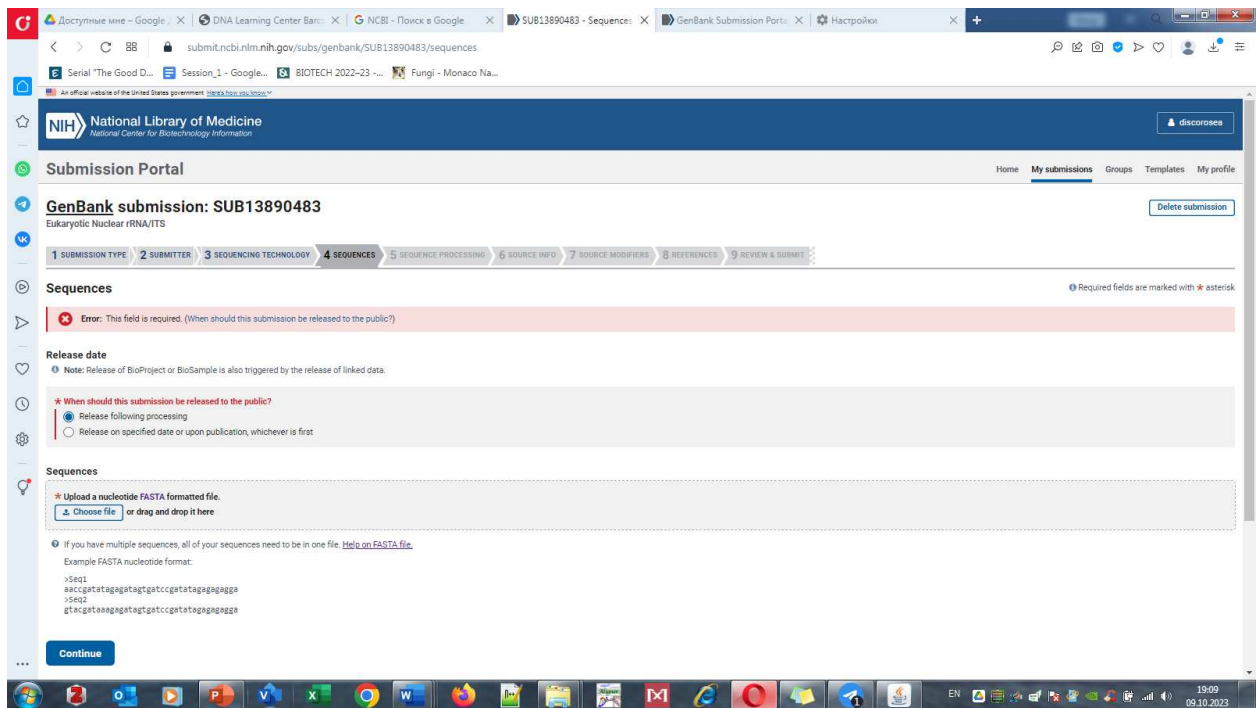
Assembled sequences (each sequence was assembled from two or more overlapping sequence reads)

[Continue](#)

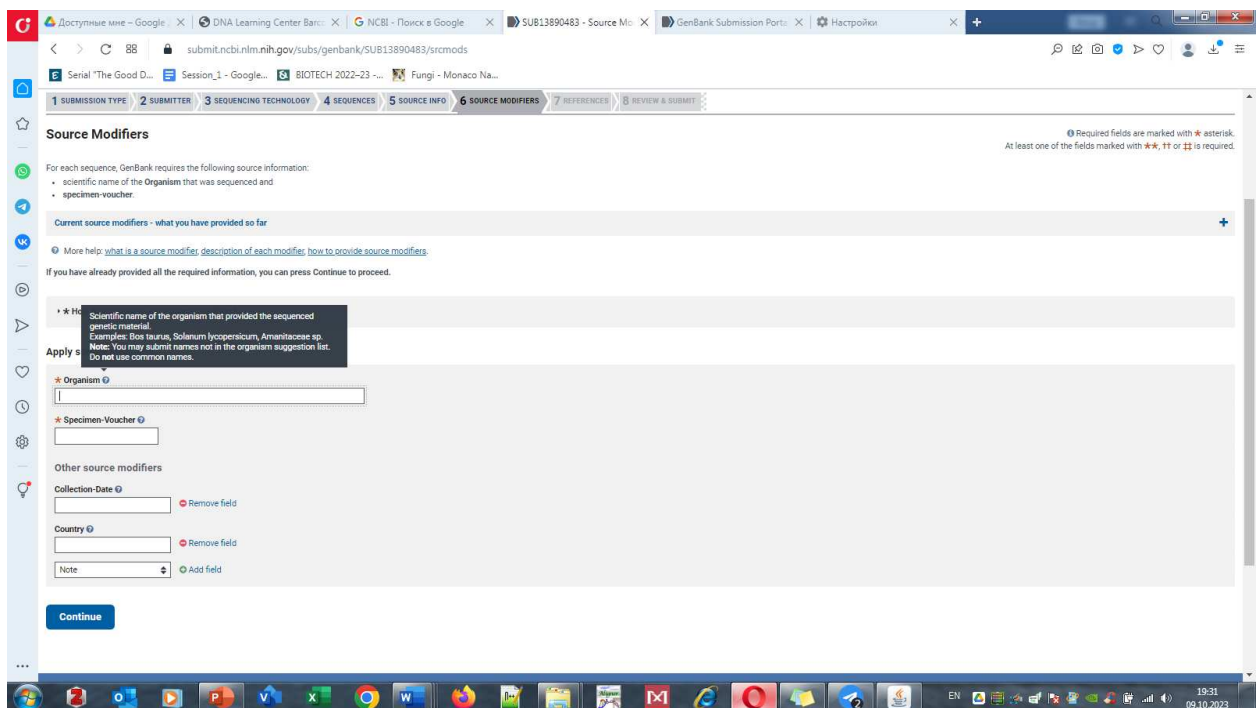
Продолжить (Continue)

В новой вкладке выбрать дату публикации последовательности и загрузить .fasta файл.

Пример файла можно посмотреть, нажав [Help on FASTA file](#).

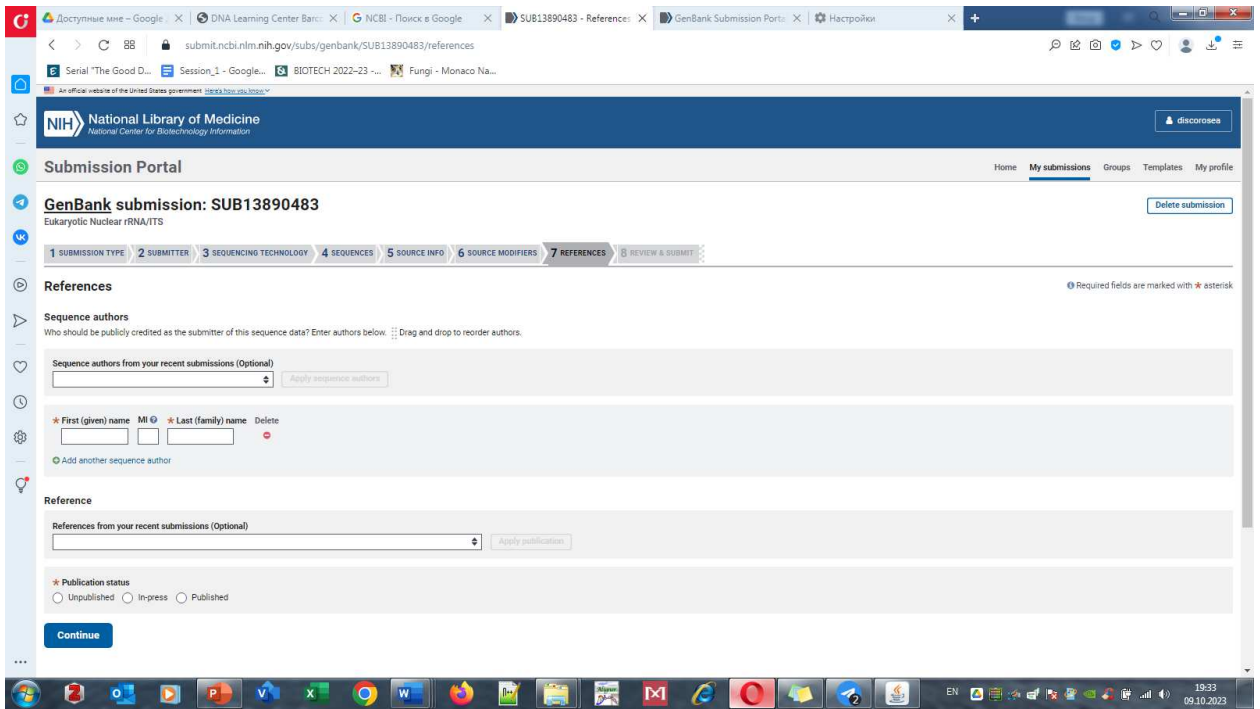


На следующей вкладке выбрать источник последовательности. Привести информацию о названии организма, номерах культур, ваучерных образцов и т.д.



Продолжить.

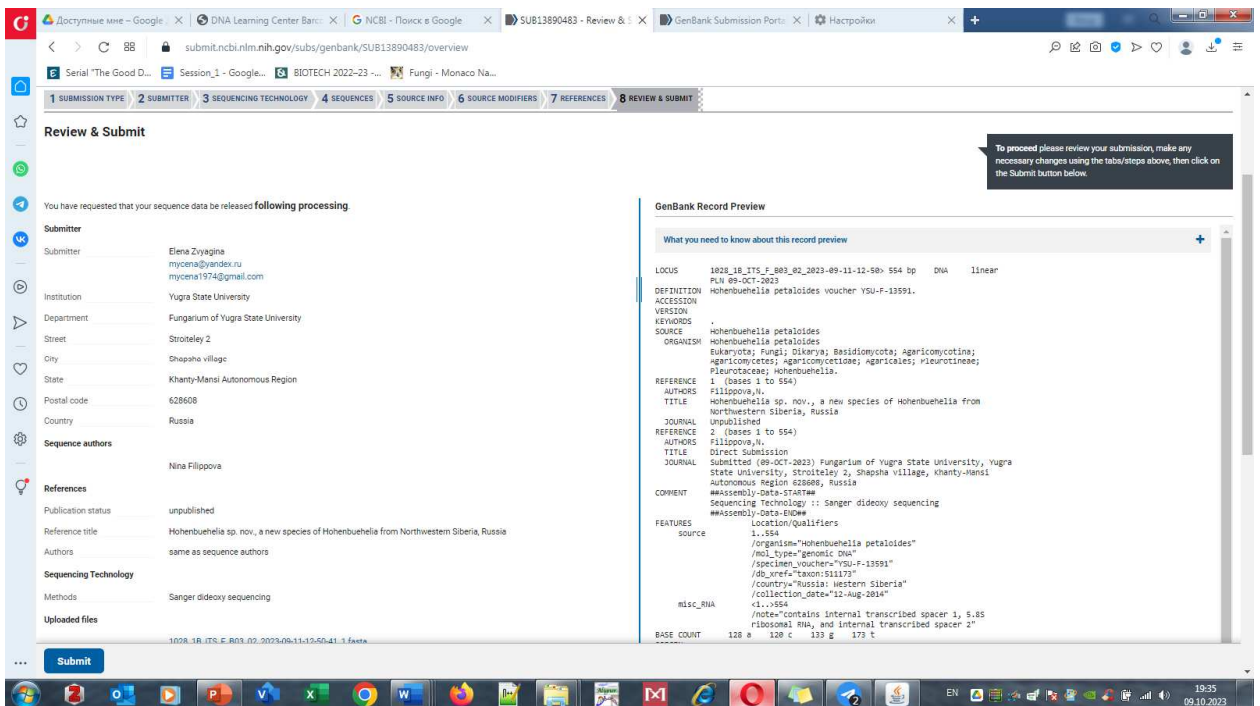
На следующей вкладке привести авторов последовательностей, а также авторов и название публикации.



Продолжить

На следующей вкладке прочитать и проверить информацию, которая будет отображена на странице последовательности.

И разрешить публикацию



На вкладке **My submissions**

появится новая запись в таблице загрузок.

После окончания обработки последовательностей на электронную почту приходит сообщение с номерами генбанка, а в таблице появляются как номера, так и файлы с информацией, отображенной на странице последовательности.

The screenshot displays the NIH Submission Portal interface. The main heading is "Your submissions". On the left, there is a sidebar with navigation options like "Start a new submission" and "GenBank". The main content area features a table of submissions. The first row, SUB13590154, is highlighted with a red circle. The table columns are: Submissions, Title, App, Group, Status, and Updated. The status for the highlighted row is "GenBank: Processing". To the right of the table is a "Filter / Search" section with input fields for "From date", "To date", "Status", and "Sort by", along with a "Query" field and "Search" and "Clear" buttons. The bottom of the image shows a Windows taskbar with various application icons and a system clock showing 19:37 on 09.10.2023.

Submissions	Title	App	Group	Status	Updated
SUB13590154	Eukaryotic Nuclear rRNA/ITS / Hohenbuehelia atrocoerulea YSU-F-13591	GenBank		GenBank: Processing	06:39
SUB13429954	Eukaryotic Nuclear rRNA/ITS / to novosti sistematiki Z20523	GenBank		GenBank: Processed OR018537-OR018544 3 files: • AccessionReport.tsv • Flatfile.txt • email.txt	May 22
SUB13168031	Eukaryotic Nuclear rRNA/ITS / to novosti sistematiki Z50423	GenBank		GenBank: Processed O0873559-O0873563 3 files: • AccessionReport.tsv • Flatfile.txt • email.txt	Apr 26
SUB12930490	Eukaryotic Nuclear rRNA/ITS / Sullius australis LE17650 Type	GenBank		GenBank: Processed O0586164 3 files: • AccessionReport.tsv • Flatfile.txt • email.txt	Mar 08
SUB12935578	Eukaryotic Nuclear rRNA/ITS / Baccotina YSU Leicomya 160223	GenBank		GenBank: Processed	Feb 17

После публикации становится доступной гиперссылка на номера последовательностей и через нее можно выйти на набор загрузки.

The screenshot displays the NCBI Nucleotide search results page. The search query is "OM874606:OM874613[accn]". The results are sorted by default order and show 4 items. The items are:

- Item 1:** *Scleroderma venenatum* (nom. inval.) voucher RE3834, LE 342312 small subunit ribosomal RNA gene, partial sequence, internal transcribed spacer 1 and 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence, and internal transcribed spacer 2, partial sequence. Accession: OM874613.1 | GI: 2201222007. Taxonomy: GenBank | FASTA | Graphics.
- Item 2:** *Scleroderma furfuraceum* voucher RE3847, LE 342313 internal transcribed spacer 1, partial sequence, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence. 762 bp linear DNA. Accession: OM874612.1 | GI: 2201222009. Taxonomy: GenBank | FASTA | Graphics.
- Item 3:** *Scleroderma venenatum* (nom. inval.) voucher RE3526, LE 342311 internal transcribed spacer 1, partial sequence, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence. 813 bp linear DNA. Accession: OM874611.1 | GI: 2201222005. Taxonomy: GenBank | FASTA | Graphics.
- Item 4:** *Scleroderma furfuraceum* voucher RE3888, LE342317 internal transcribed spacer 1, partial sequence, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence. 664 bp linear DNA. Accession: OM874610.1 | GI: 2201221991. Taxonomy: GenBank | FASTA | Graphics.

The right sidebar contains several sections: "Filter your results" (All (4), rRNA (0)), "Results by taxon" (Top Organisms: *Scleroderma furfuraceum* (2), *Scleroderma venenatum* (2)), "Analyze these sequences" (Run BLAST), "Find related data" (Database: Select), "Search details" (OM874606[accn] | OM874613[accn]), and "Recent activity" (OM874606 - OM874613[accn] (4)).